



19 FEDERAL REPUBLIC  
OF GERMANY



GERMAN PATENT  
AND TRADEMARK OFFICE

12 **Unexamined Patent**  
Application  
10 **DE 199 43 374 A1**

51 Int. Cl.<sup>7</sup>:  
**C 07 H 21/00**  
C 07 H1/06  
C12 Q 1/68  
G 01 N 33/50

21 Application number: 199 43 374.7  
22 Filing date: September 10, 1999  
43 Date laid open for  
public inspection: March 29, 2001

DE 199 43 374 A1

71 Applicant:  
Max-Planck-Gesellschaft zur Förderung der  
Wissenschaften e.V., 80539 Munich, DE

74 Representative:  
Weickmann & Weickmann, 81679 Munich

72 Inventor:  
Rauth, Holger, 10827 Berlin, DE; Reinhardt, Richard,  
Dr., 14195 Berlin, DE; Nordhoff, Eckhard, Dr., 14109  
Berlin, DE

56 Citations:  
US 57 05 628  
WO 99 58 664 A1  
WO 93 25 912 A2  
WO 93 25 709 A1  
Chem. Abstr. 125 (1996) 137219x;  
Chem. Abstr. 124 (1996) 77645a;  
Chem. Abstr. 110 (1989) 227883d;

**The following information is taken from documents filed by the applicant.**

Application for examination in accordance with §44, German Patent Act has been filed.

54 Method for binding nucleic acids to a solid phase

57 A method is described for binding nucleic acids to a solid phase, wherein a solution containing nucleic acid is brought into contact with a solid phase containing hydrophobic and hydrophilic groups on the surface, in the presence of a salt and polyethylene glycol, thereby binding the nucleic acid to the surface.



⑩ **BUNDESREPUBLIK  
DEUTSCHLAND**



**DEUTSCHES  
PATENT- UND  
MARKENAMT**

⑫ **Offenlegungsschrift  
DE 199 43 374 A 1**

⑪ Aktenzeichen: 199 43 374.7  
⑫ Anmeldetag: 10. 9. 1999  
⑬ Offenlegungstag: 29. 3. 2001

⑮ Int. Cl.7:  
**C 07 H 21/00**  
C 07 H 1/06  
C 12 Q 1/68  
G 01 N 33/50

**DE 199 43 374 A 1**

⑦① Anmelder:  
Max-Planck-Gesellschaft zur Förderung der  
Wissenschaften e.V., 80539 München, DE

⑦② Vertreter:  
Weickmann & Weickmann, 81679 München

⑦③ Erfinder:  
Rauth, Holger, 10827 Berlin, DE; Reinhardt, Richard,  
Dr., 14195 Berlin, DE; Nordhoff, Eckhard, Dr., 14109  
Berlin, DE

⑤⑥ Entgegenhaltungen:  
US 57 05 628  
WO 99 58 664 A1  
WO 93 25 912 A2  
WO 93 25 709 A1  
Chem.Abstr. 125 (1996) 137219x;  
Chem.Abstr. 124 (1996) 77645a;  
Chem.Abstr. 110 (1989) 227883d;

**Die folgenden Angaben sind den vom Anmelder eingereichten Unterlagen entnommen**

Prüfungsantrag gem. § 44 PatG ist gestellt

⑤⑦ Verfahren zum Anbinden von Nukleinsäuren an eine Festphase

⑤⑦ Es wird ein Verfahren zum Anbinden von Nukleinsäuren an eine Festphase beschrieben, bei dem eine Nukleinsäure enthaltende Lösung mit einer Festphase, die hydrophobe und hydrophile Gruppen auf der Oberfläche aufweist, in Gegenwart eines Salzes und Polyethylenglykols in Kontakt gebracht wird, wobei die Nukleinsäure an die Oberfläche gebunden wird.

**DE 199 43 374 A 1**

Die Erfindung betrifft Verfahren zum Anbinden bzw. Immobilisieren von Nukleinsäuren an eine Festphase sowie zum Aufreinigen der gebundenen Nukleinsäuren, wobei die Festphase mit hydrophilen und hydrophoben Gruppen belegt ist.

Für viele Arbeitstechniken ist es erforderlich, daß die eingesetzten Nukleinsäuren, insbesondere DNA, frei von störenden Begleitsubstanzen sind. Mit herkömmlichen Verfahren erhaltene Nukleinsäuren müssen deshalb vor einer Weiterverwendung in den meisten Fällen aufgereinigt werden. Beispielsweise müssen vor einer Sequenzierung von PCR (Polymerasekettenreaktion)-Produkten unerwünschte Nebenprodukte, überschüssiger Primer, nicht eingebaute Nukleotide und Salze des Reaktionspuffers abgetrennt werden, da sie die Sequenzierreaktion stören könnten. Auch bei einer Vervielfältigung von DNA mit Hilfe von Zellen muß vor der Weiterverarbeitung der gewünschten DNA eine Aufreinigung erfolgen, bei der das Zelldebris nach einer Lyse abgetrennt wird. Die gewünschte DNA muß dann vor der Verwendung, z. B. für einen Restriktionsverdau oder eine Sequenzierreaktion, von Verunreinigungen, wie RNA, Proteinen, Salzen und dgl. befreit werden. Auch für eine quantitative Bestimmung von Nukleinsäuren, beispielsweise über UV-Absorptionsmessungen, ist zunächst eine Aufreinigung erforderlich, da für eine fehlerfreie Bestimmung die verwendete Nukleinsäurelösung frei von anderen Bestandteilen sein muß, die im gleichen Wellenbereich wie das gewünschte Produkt absorbieren, beispielsweise RNA, Primer, Nukleotide und dgl. Auch bei einer Konzentrationsbestimmung durch fluorimetrische Messungen müssen aufgereinigte Nukleinsäuren verwendet werden, damit es nicht zu unspezifischer, das Ergebnis verfälschender Fluoreszenz kommt.

Bei massenspektrometrischen Untersuchungen von Nukleinsäuren, insbesondere DNA, beispielsweise mit MALDI-MS (Matrix assisted Laser Desorption/Ionisation-Mass Spectrometry; Matrix-unterstützte Laserdesorption/Ionisations-Massenspektrometrie) ist es nötig, daß die Probenmoleküle weitgehend frei von Begleitsubstanzen, wie etwa Puffersubstanzen, Metallkationen, Primerüberschüssen, Peptiden, Lipiden, Detergenten und dgl., sind, welche die Analyse stören könnten. Weiterhin wird eine Nukleinsäure zur Durchführung einer MALDI-MS-Analyse vorteilhafterweise in die Ammoniumform überführt. Auf diese Weise lassen sich diskrete Analysesignale und ein gutes Signal/Rausch-Verhältnis erreichen, und die Diskriminierung des Probensignals durch Begleitsubstoffe wird vermieden.

Bei der Aufarbeitung von wenigen Proben kann die Aufreinigung zwar manuell mit aufwendigen Techniken erfolgen. Zur Bewältigung einer größeren Anzahl von Proben ist es jedoch erforderlich, ein geeignetes, technisch einfaches und kostengünstiges Aufreinigungsverfahren bereitzustellen, das automatisiert werden kann, um den geforderten Durchsatz zu bewältigen.

Bisher sind verschiedene Verfahren zur Aufreinigung von Nukleinsäuren bekannt. Bei der Reinigung über Säulen kommen unterschiedliche Techniken zum Einsatz. Beispielsweise wird beim QIAquick/PCR Purification Kit von Qiagen DNA mit Hilfe eines speziellen Bindungspuffers an eine Siliciummembran adsorbiert. Der Bindungspuffer bewirkt, daß nur DNA bestimmter Länge adsorbiert wird und überschüssiger Primer und Nukleotide abgetrennt werden können. Nach dem Waschen der DNA wird diese dann mit einem geeigneten Elutionsmittel von der Säule eluiert.

Bei der Ausschluß-Chromatographie wird eine flüssige Phase, welche gelöste DNA enthält, auf eine Gelmatrix ge-

geben, wobei die Makromoleküle in Abhängigkeit ihrer Größe verschieden tief in das Netzwerk der Matrix eindringen. Kleinere Moleküle dringen tiefer ein als größere Moleküle und werden somit länger auf der Säule zurückgehalten.

Moleküle, die größer als die größten Poren der verwendeten gequollenen Gelmatrix sind, können die Gelkörner nicht durchdringen und wandern an diesen vorbei, so daß sie die Säule zuerst verlassen. Aufgrund der unterschiedlichen Größe von gewünschter DNA auf der einen Seite und Primern und Nukleotiden auf der anderen Seite, kann eine Aufreinigung erfolgen. Ein häufig verwendetes Material für die Gelmatrix ist Sephacryl von Pharmacia.

Bei den Säulentechniken wird das Eluat üblicherweise durch Zentrifugation erhalten, weshalb diese Techniken nur mit sehr hohem Aufwand automatisiert werden können. Damit sind Säulentechniken nicht für einen hohen Probandendurchsatz geeignet. Darüber hinaus ist die Aufreinigung über Säulen mit einem komplexen apparativen Aufwand und damit mit hohen Kosten verbunden.

Ein weiteres Verfahren zur Aufreinigung von DNA ist die präparative Isolierung mittels Gelelektrophorese. Dabei werden die Moleküle nach ihrer Größe getrennt. Die gewünschten Bande mit den interessierenden Molekülen wird ausgeschnitten, und diese werden dann direkt aus dem Gel eluiert. Auch dieses Verfahren ist nur schwer zu automatisieren, wobei der limitierende Schritt das Ausschneiden der gewünschten Bande ist. Diese Methode konnte deshalb bisher nur für den manuellen Einsatz verwendet werden.

Ein weiteres Verfahren zur Aufreinigung von Nukleinsäuren ist die Magnetseparation mittels spezifischer Bindung der Nukleinsäuren an eine funktionalisierte Oberfläche. Bei einer spezifischen Bindung werden gezielt nur bestimmte DNA-Fragmente über hochaffine Wechselwirkungen oder kovalente Bindung an Partikel gebunden. Beispielsweise werden an mit immobilisiertem Streptavidin ausgestattete Magnetpartikel über hochaffine Wechselwirkungen biotinylierte Produkte gebunden. Neben der Verwendung von Oberflächen, die einen Partner eines spezifischen Bindepaares tragen, können auch Partikel verwendet werden, die an ihrer Oberfläche einen Primer tragen. Unter geeigneten Hybridisierungsbedingungen werden dann nur Fragmente mit zu diesem Primer komplementärer Sequenz gebunden. Diese Verfahren erfordern jedoch eine aufwendige Vorbereitung sowohl der Festphasen als auch der aufzureinigenden Moleküle, beispielsweise durch Derivatisierung und sind auf so vorbereitete Moleküle limitiert.

WO 94/11103 beschreibt solch ein Verfahren unter Verwendung von magnetisierbaren Polymerpartikeln, die auf ihrer Oberfläche spezifische Affinitätsliganden tragen.

EP 0 885 958 beschreibt ein Verfahren zur Isolierung von DNA unter Verwendung von mindestens zwei verschiedenen Magnetpartikeln, die Partner eines spezifischen Bindepaares, beispielsweise Sonden, Biotin oder Streptavidin tragen.

US-Patent 5,405,951 beschreibt ein Verfahren, bei dem DNA unter Verwendung von chaotropen Salzen an Silicaoberflächen gebunden wird. Chaotrope Salze sind jedoch gesundheitsgefährdend. Zudem ist bei dem im US-Patent 5,405,951 beschriebenen Verfahren ein Arbeiten bei erhöhter Temperatur erforderlich.

US-Patent 5,705,628 beschreibt ein Verfahren, bei dem DNA unter Verwendung eines Bindungspuffers an magnetische Mikropartikel gebunden wird, die eine mit Carboxylgruppen ausgestattete Oberfläche aufweisen. Allerdings werden dort aufgrund der geringen Ausbeute relativ viele Partikel pro Probe benötigt und die Carboxylgruppen-Modifikation erlaubt nur die Verwendung von wenigen, speziellen Partikelsorten.

Aufgabe der Erfindung war es somit, ein Verfahren zur Immobilisierung/Anbindung bzw. Aufreinigung von Nukleinsäuren bereitzustellen, welches die Nachteile der im Stand der Technik bekannten Verfahren zumindest teilweise vermeidet und welches insbesondere eine einfache und kosteneffiziente Aufreinigung einer großen Anzahl von Proben ermöglicht.

Diese Aufgabe wird erfindungsgemäß gelöst durch ein Verfahren zum Anbinden von Nukleinsäuren an eine Festphase, welches dadurch gekennzeichnet ist, daß eine Nukleinsäure enthaltende Lösung mit einer Festphase, die hydrophobe und hydrophile Gruppen auf der Oberfläche aufweist, in Gegenwart eines Salzes und Polyethylenglykols in Kontakt gebracht wird, wobei die Nukleinsäuren an die Oberfläche gebunden werden. Unter diesen Bedingungen binden die Nukleinsäuremoleküle an besagte Oberfläche und stehen somit für festphasengestützte Waschvorgänge bereit, während derer störende Substanzen effektiv abgetrennt werden können und bei Bedarf die Probenmoleküle in die für die Massenspektrometrie günstige Ammoniumform überführt werden können.

Mit dem erfindungsgemäßen Verfahren können Nukleinsäuren aus Lösungen isoliert werden, wobei unter dem Begriff Nukleinsäure auch deren Salze zu verstehen sind. Die Bindung der Nukleinsäuren an die Oberfläche der Festphase erfolgt bevorzugt reversibel und unspezifisch und ist somit nicht durch spezielle hochaffine Bindepaaire, wie etwa Streptavidin/Avidin, oder auf Nukleinsäuren mit bestimmten Sequenzabschnitten begrenzt. Das Verfahren ist technisch einfach durchzuführen und kann ohne großen Aufwand automatisiert werden, so daß ein hoher Probendurchsatz bei geringen Kosten möglich ist. Das Immobilisieren und auch das Eluieren der Nukleinsäuren von der Oberfläche kann bei Raumtemperatur durchgeführt werden. Weiterhin wurde überraschenderweise festgestellt, daß Nukleinsäuren mit hoher Ausbeute an besagte Oberflächen gebunden werden können. Dies hat zur Folge, daß bei dem erfindungsgemäßen Verfahren weniger Proben pro Probe eingesetzt werden müssen als bei bekannten Verfahren, wodurch eine weitere Vereinfachung und Kostenverringerung erzielt werden kann.

Bevorzugt weist der mit der Lösung in Kontakt gebrachte Teil der verwendeten Festphase einen Anteil von  $\geq 1\%$ , insbesondere  $\geq 5\%$  bevorzugt  $\geq 10\%$  und von  $\leq 90\%$ , insbesondere  $\leq 50\%$  und bevorzugt  $\leq 30\%$  an hydrophoben chemischen Oberflächengruppen auf. Dabei ist zu beachten, daß ab einem gewissen Anteil an hydrophoben Oberflächengruppen, der für die jeweilige Festphase ohne weiteres vom Fachmann bestimmt werden kann, ein Verklumpen von Festphasenpartikeln in wässriger Lösung auftritt, mit der Folge, daß die Festphase nicht mehr resuspendierbar ist.

Erfindungsgemäß bevorzugt werden kleine, insbesondere magnetische Partikel eingesetzt, die auf ihrer Oberfläche funktionelle, hydrophobe Gruppen, wie etwa Alkyl- oder Arylgruppen tragen, verwendet, woran Nukleinsäuren unspezifisch und reversibel gebunden werden können. Günstigerweise werden aus der Umkehrphasenchromatographie bekannte funktionelle Gruppen verwendet, da deren Immobilisierung und Handhabung gut verstanden und etabliert ist.

Es ist auch möglich, eine Festphase mit mehreren, voneinander z. B. durch inerte Bereiche abgegrenzten aktiven Oberflächenebenen zu verwenden, um mehrere räumlich voneinander abgegrenzte Reagenzfelder bereitzustellen.

Besagte Oberfläche auf der Festphase kann, sofern nicht vorhanden, durch Derivatisierung oder durch Beschichtung bereitgestellt werden. Diese Verfahrensweise hat den Vorteil, daß das Material für die Festphase frei wählbar ist. Die hydrophoben chemischen Gruppen sind vorzugsweise orga-

nische Kohlenwasserstoff-enthaltende Gruppen und können cyclische, lineare oder/und verzweigte Strukturen aufweisen. Bevorzugt trägt die Oberfläche  $C_{12}$ - $C_{30}$ -Alkylgruppen, oder  $C_5$ - $C_{30}$ -Arylgruppen, insbesondere  $C_6$ - $C_{24}$ -Alkylgruppen als funktionelle, hydrophobe Gruppen. Besonders bevorzugt werden die Alkylgruppen ausgewählt aus  $C_8$ -Alkyl-,  $C_{18}$ -Alkyl und Mischungen davon, wobei Octadecyl-Liganden am meisten bevorzugt sind.

Neben hydrophoben Gruppen weist die Oberfläche weiterhin hydrophile chemische Gruppen, z. B. Hydroxyl- oder/und Oxidgruppen, auf, die ggf. bei einer der unten genannten Vor- bzw. Zwischenbeschichtungen bereits vorhanden sein können. Wie oben ausgeführt neigen insbesondere kleine Partikel mit ausschließlich hydrophober Oberfläche zum Verklumpen in wässrigen Lösungen. Dieses Problem kann vermieden werden, indem den funktionellen hydrophoben Gruppen hydrophile Gruppen, insbesondere Hydroxylreste zur Seite gestellt werden. Die Hydroxylgruppen können anorganische Hydroxylgruppen, z. B. Kieselsäuregruppen, oder/und organische Hydroxylgruppen, z. B. Mono- oder Polysaccharide wie Agarose, umfassen. Weitere geeignete hydrophile Gruppen umfassen Carbonyl-, Carboxyl-, Ester-, Amino-, Thiol-, Sulfat-, Sulfonyl- und ähnliche Gruppen und Kombinationen solcher Gruppen. Auch Polyoxyderivate, wie etwa Polyalkylenglykolderivate können als hydrophile Gruppen eingesetzt werden.

Die Anordnung und das Verhältnis von hydrophoben und hydrophilen Gruppen in dem zur Anbindung der Nukleinsäuren vorgesehenen Bereich der Oberfläche wird so eingestellt, daß die jeweiligen Partikel in wässriger Lösung gerade nicht mehr verklumpen, die Bindung der Nukleinsäure aber noch wirksam stattfindet. Die funktionellen Gruppen sowie deren Anordnung können vom Fachmann den jeweiligen Parametern, wie etwa der Partikelgröße, der Partikeldichte, dem Analyten etc. angepaßt ausgewählt werden. Es ist beispielsweise möglich, die hydrophilen Gruppen in die von den hydrophoben Gruppen abgegrenzten, separaten Mikrobereichen aufzubringen. Bevorzugt ist jedoch eine "Mischoberfläche", in der die hydrophoben und hydrophilen Gruppen nebeneinander vorliegen. Die hydrophilen Gruppen können auch durch geeignet substituierte organische Moleküle, z. B. Hydroxy-substituierte Alkyle eingebracht werden. Ein Beispiel für eine bevorzugte Mischoberfläche ist eine Alkyl/OH-Oberfläche, insbesondere eine  $C_{18}$ -Alkyl/OH-Oberfläche.

Besagte Oberflächen können direkt oder mittels einer Vor- oder/und Zwischenbeschichtung auf die Festphase aufgebracht sein. Geeignete Vorbeschichtungen sind beispielsweise eine Polykieselsäurematrix oder/und eine Monosaccharidmatrix. Andere geeignete Vorbeschichtungen sind Partner eines spezifischen Bindepaares, beispielsweise Streptavidin/Avidin, auf die dann die eigentliche aktive Schicht aufgebracht wird. Die Bindung der hydrophoben oder/und hydrophilen Gruppen an die Festphase bzw. die Bindung der hydrophoben oder/und hydrophilen Beschichtung an die Vorbeschichtung und die Bindung der Vorbeschichtung an die Festphase kann z. B. kovalent, z. B. durch Veresterung, adsorptiv oder über hochaffine Wechselwirkungen erfolgen. Bei einer besonders bevorzugten Ausführungsform wird eine Vorbeschichtung bestehend aus Polykieselsäure und Monosaccharid auf eine Festphase, beispielsweise  $\gamma$ -Eisenoxydpartikel mit einem Durchmesser im Nanometer- oder Mikrometerbereich aufgebracht. Diese Vorbeschichtung wird dann mit hydrophoben Gruppen, insbesondere Alkylgruppen und ggf. auch mit hydrophilen Gruppen, ausgestattet. Besonders gute Ergebnisse wurden mit Partikeln erhalten, die 10 bis 15% Alkylgruppen, insbesondere Octadecylgruppen pro Kieselsäure-Matrix (mol/

mol) und 0,2% Octadecylgruppen pro Monosaccharid-Einheit (mol/mol) aufweisen.

Als Festphase kann jede dem Fachmann bekannte Festphase verwendet werden, wie etwa Mikrotiterplatten, Gefäße, wie etwa Eppendorf-Gefäße, Greiner tubes, Nung Röhrchen etc. Bevorzugt werden als Festphase Feststoffpartikel mit einem Durchmesser  $\leq 1$  mm bis  $\leq 1$  mm eingesetzt, wodurch eine günstige spezifische Oberfläche pro Gramm Partikel zugänglich ist. Das erfindungsgemäße Verfahren erlaubt den Einsatz verschiedenster Festphasenmaterialien. Bevorzugt wird als Festphasenmaterial Silica, ein Kunststoff wie etwa Polystyrol, oder ein magnetisches oder magnetisierbares Material verwendet und insbesondere  $\gamma$ -Eisenoxid.

Wenn eine magnetische Festphase verwendet wird, können weitere Vorteile erhalten werden. Eine Magnetscheidung ist relativ einfach durchzuführen und kann leicht automatisiert werden. Wenn paramagnetische oder para- und ferromagnetische Partikel als Festphase verwendet werden, kann zudem ein Zusammenklumpen der Feststoffpartikel weiter vermindert werden. Üblicherweise werden für die magnetische Partikeltechnologie (z. B. der Firma Dynal, Oslo, Norwegen) kleine magnetische Partikel mit einem Durchmesser im nm- oder  $\mu$ m-Bereich verwendet, bei welchen das Problem des Verklumpens besonders stark ist. Die erfindungsgemäße Aufreinigung kann aber ohne Verklumpen durchgeführt werden, da den hydrophoben Gruppen in ausreichender Zahl hydrophile Gruppen, insbesondere Hydroxylgruppen zur Seite gestellt werden.

Die Anbindung von Nukleinsäuren bzw. deren Salzen an besagte Oberfläche wird erfindungsgemäß durch einen Bindepuffer vermittelt. Dieser Bindepuffer enthält ein Salz sowie Polyethylenglykol. Als Salz wird bevorzugt ein Alkali-, Erdalkali- oder/und Ammoniumsalz verwendet, welches als Kation, insbesondere ein Li-, Na-, K-, Rb-, Cs-, Fr-, Be-, Mg-, Ca-, Sr-, Ba-, Ra- oder/und  $\text{NH}_4$ -Ion enthält. Als Anion enthält das erfindungsgemäß verwendete Salz bevorzugt ein Halogenanion, insbesondere ein Chloridanion. Das verwendete Polyethylenglykol (PEG) weist bevorzugt eine mittlere Molmasse von 1000 bis 2000 g/mol, insbesondere von 6000 bis 15000 g/mol auf.

Da die Viskosität mit steigendem PEG-Gehalt zunimmt, wird dem Bindepuffer bevorzugt ein Alkohol, insbesondere Methanol, Ethanol, Propanol und/oder Butanol, besonders bevorzugt Ethanol oder 2-Propanol zugegeben. Der Alkoholgehalt im Bindungspuffer kann bis zu 50 Gew.-% betragen, bevorzugt 30 bis 40 Gew.-%.

Im allgemeinen wird für das erfindungsgemäße Verfahren das Salz bevorzugt in einer Konzentration von  $\leq 5$  mmol/l, insbesondere von 5 mmol/l bis 4 mol/l, insbesondere bis zu 3 mol/l und das Polyethylenglykol bevorzugt in einer Konzentration von 5 bis 40%, eingesetzt. Die angegebenen Konzentrationen an Salz und PEG sind finale Konzentrationen und beziehen sich auf die Bindungsbedingungen, d. h. auf das endgültige Gemisch, das Probe und Bindungspuffer und ggf. weitere Verdünnungsmittel, wie etwa Wasser, umfaßt.

Mit dem erfindungsgemäßen Verfahren ist es möglich, DNA über einen großen Molmassenbereich zu immobilisieren und aufzureinigen. Es ist sowohl möglich, nur wenige Basen große Einzelstrang-DNA aufzureinigen als auch mehrere 100 kb große Doppelstrang-DNA, insbesondere BACs, PACs und dgl.

Nukleinsäuren, die mit dem erfindungsgemäßen Verfahren aufgereinigt werden können, umfassen z. B. Einzelstrang-DNA, Doppelstrang-DNA, RNA, tRNA sowie Nukleinsäure-Protein-, Nukleinsäure-PNA- und Nukleinsäure-Zucker-Adukte oder Komplexe. Bevorzugt werden Nukleinsäuren immobilisiert, bei denen es sich um Amplifikati-

onsprodukte, beispielsweise aus einer PCR-Reaktion, handelt oder die durch Amplifikation mit Hilfe von Zellen, z. B. mittels einer Übernachtskultur, erhalten wurden oder um Sequenzierreaktionsprodukte, Primer-Extensionsreaktionsprodukte, Ligasekettenreaktionsprodukte, Restriktionsendonukleaseverdauungsprodukte, etc. Es können aber auch synthetisch hergestellte Nukleinsäuren gebunden werden.

Anhand der Konzentration der Bestandteile, insbesondere von Salz und PEG, läßt sich die selektive Anbindung der Einzel- und Doppelstrang-Nukleinsäuren an besagte Oberfläche einstellen. Dabei kann eine Selektivität  $\geq 70\%$ , insbesondere  $\geq 80\%$  und besonders bevorzugt  $\geq 90\%$  erzielt werden. Bei einer Konzentration an einwertigen Kationen von 0,5 bis 4 mol/l, zweiwertigen Kationen  $\leq 5$  mmol/l und  $\text{PEG} \leq 15$  Gew.-% binden selektiv ds-Nukleinsäuren  $\geq 80$  bp auch in Gegenwart von ss-Nukleinsäuren. Die Anbindung von ss-Nukleinsäuren gelingt durch Einstellen der Konzentration zweiwertiger Kationen  $> 5$  mmol/l und  $< 100$  mmol/l und PEG von 10 bis 30 Gew.-%. Die Kombination beider Methoden ermöglicht die selektive Auftrennung von ss- und ds-Nukleinsäuren. Doppelstrang-Nukleinsäuren lassen sich durch Einstellen der Salz- und PEG-Konzentrationen innerhalb der zuvor genannten Bereiche auch nach Größe fraktionieren. Für kleine Nukleinsäuren, insbesondere DNA, hat sich die Verwendung einer finalen Kombination an PEG von 15–40% (Gew./Gew.) und einem Salzgehalt von 10 bis 1000 mmol/l als vorteilhaft erwiesen.

In einer weiteren Ausführungsform betrifft die Erfindung ein Verfahren zur Isolierung oder/und Aufreinigung von Nukleinsäuren umfassend die Schritte

- (a) Bereitstellen einer Nukleinsäure enthaltenden Lösung,
- (b) Inkontaktingeben der Nukleinsäure enthaltenden Lösung mit einer Festphase, die hydrophobe und hydrophile Gruppen auf der Oberfläche aufweist, in Gegenwart eines Salzes und Polyethylenglykol, wobei die Nukleinsäure an die Oberfläche gebunden wird,
- (c) Abtrennen der Festphase von der Lösung und
- (d) gegebenenfalls Ablösen der Nukleinsäure von der Festphase.

Bei der bevorzugten Verwendung einer magnetischen Festphase ist das Abtrennen der Festphase von der Lösung durch magnetische Mittel möglich und kann somit leicht automatisiert werden.

Die Festphase wird bevorzugt einmal vor ihrem Einsatz gewaschen. Abhängig von Anwendung und Oberfläche kann z. B. zum Waschen der mit Wasser (bevorzugt 1 : 1) verdünnte Bindungspuffer (BP) verwendet werden. Es kann auch eine Lösung von 0,5 mol/l EDTA pH 8–9 eingesetzt werden. Wenn eine anschließende Analyse der Probe beabsichtigt ist, kann es sinnvoll sein, die Festphase mit mehreren Puffern zu waschen, u. a. auch mit einem Ammoniumacetat-Puffer.

Eine weitere Verbesserung der Aufreinigung kann dadurch erhalten werden, daß die abgetrennte Festphase, an deren Oberfläche die Nukleinsäure gebunden ist, mit einer Pufferlösung gewaschen wird, welche an die Festphase gebundene Verunreinigungen, nicht aber an die Festphase gebundene Nukleinsäure löst. Die Zusammensetzung der Waschlösung wird in Abhängigkeit der Anwendung und der Oberfläche ausgewählt. Als Waschlösung geeignet ist z. B. 50–70% (vol/vol) Ethanol oder 2-Propanol, ggf. mit Zusätzen von EDTA, CDTA und TRIS in millimolaren Konzentrationen. Falls die Probe anschließend mit Massenspektrometrie analysiert werden soll, ist die Verwendung einer Ammoniumacetat enthaltenden Waschlösung in wenigstens ei-

nem Waschschritt bevorzugt, z. B. 0,05 bis 5 mol/l Ammoniumacetat in 60 bis 80% Ethanol. Oftmals ist es auch vorteilhaft, zur Aufreinigung mehrere Waschschritte mit unterschiedlichen Waschpuffern durchzuführen.

Die auf besagter Oberfläche gebundenen Nukleinsäuremoleküle bzw. deren Salze werden bevorzugt mittels einer Elutionslösung abgetrennt, wobei als Elutionslösung jede Flüssigkeit verwendet werden kann, die die Nukleinsäure wieder von der Festphase ablöst. Die Wahl der Elutionslösung hängt von der Art der verwendeten Oberfläche und des Analyten sowie von der nachfolgenden Verwendung des Analyten ab. Bevorzugt werden als Elutionslösung bidestilliertes Wasser, pH 7 bis 8, eine wäßrige TRIS-Lösung mit einer TRIS-Konzentration von 1 bis 100 mmol/l, bevorzugt mit einem pH-Wert von 7 bis 9, eine Formamidlösung, ein Loading Buffer für die Elektrophorese, eine Matrixlösung, z. B. 3-Hydroxypropionsäure in Wasser (1:200 mmol/l) für MALDI-MS etc. verwendet.

Eine magnetische Festphase kann nach Ablösung der Nukleinsäure wiederum mit magnetischen Mitteln abgetrennt werden, wodurch eine vollständige Automatisierung des erfindungsgemäßen Verfahrens erreicht werden kann.

Die mit den erfindungsgemäßen Verfahren isolierten oder/und aufgereinigten Nukleinsäuren können unmittelbar für eine weitere Analyse, z. B. eine Massenspektrometrie (MS)-Analyse verwendet werden. Die bisherige aufwendige manuelle Reinigung über Säulen ist nicht erforderlich. Vielmehr ist es möglich, eine hohe Anzahl von Proben kostengünstig und schnell für eine MS-Analyse, insbesondere eine MALDI-MS-Analyse oder eine ESI (Elektrospray-Ionisation)-MS-Analyse automatisch aufzureinigen. Dabei können insbesondere Begleitstoffe, wie etwa Puffersubstanzen, Metallkationen, Primerüberschüsse, Peptide, Lipide, Detergentien und dgl. entfernt werden. Vorteilhafterweise wird die Nukleinsäure zur Durchführung einer MALDI-MS-Analyse in die Ammoniumform überführt, z. B. durch einen Ionenaustausch  $\text{Na}^+$  gegen  $\text{NH}_4^+$ , der durchgeführt werden kann, während die Nukleinsäuren an die Oberfläche gebunden sind. Die Art der erfindungsgemäßen Anbindung ermöglicht also eine Reinigungsprozedur, d. h. die Nukleinsäure liegt in zugänglicher Form und nicht als Präzipitat vor. Für eine Analyse mit MALDI-MS sind insbesondere kleine DNA-Moleküle von Interesse. Erfindungsgemäß ist die Aufreinigung von kleinen DNA-Molekülen oberhalb einer Mindestgröße von ca. 5 Nukleotiden, insbesondere  $\geq 10$  Nukleotiden möglich. Mit dem erfindungsgemäßen Verfahren werden die bei der MALDI-MS-Analyse störenden Komponenten, wie etwa Puffersubstanzen und Metallkationen sowie evtl. vorhandene Primerüberschüsse effektiv abgetrennt. Die DNA-Moleküle werden zudem in die für eine MALDI-MS-Analyse kompatible Ammoniumform überführt und können wahlweise in reinem Wasser oder in einer wässrigen Matrixlösung eluiert werden und somit direkt auf das MALDI-Target transfertiert werden. Eine Modifikation der Zusammensetzung der Bindungs- und Waschpuffer und der sequentielle Einsatz von Partikeln erlaubt es auch, größere DNA-Moleküle von der Aufreinigung auszuscheiden, wodurch selektiv ein vorbestimmter Molmassenbereich ausgewählt werden kann, z. B.  $\geq 60$  bp und  $\leq 100$  bp.

Durch Variation der Salz- und PEG-Konzentration ist es auch möglich, kleine Oligonukleotide, wie etwa Primer (ssDNA), Primer-Extensionsprodukte, effizient für eine Analyse mit MALDI-MS aufzureinigen.

Ein weiterer Vorteil ist der breite Volumenbereich, in dem mit dem erfindungsgemäßen Verfahren gearbeitet werden kann. Es sind Volumina von ml- bis zum oberen nl-Bereich möglich, insbesondere von  $< 1$  ml, bevorzugt  $< 1$  ml und

besonders bevorzugt  $< 100$   $\mu\text{l}$  und  $\geq 100$  nl, bevorzugt  $\geq 1$   $\mu\text{l}$ . Der Volumenbereich kann für die jeweilige Applikation eingestellt werden, wobei bei kleinem Volumen eine konzentrierte Probe erhalten wird.

Weiterhin ist es möglich, erfindungsgemäß angebundene Nukleinsäuren nach bekannten Verfahren zu sequenzieren. Die Sequenzierungsbedingungen von bekannten Verfahren stellen oftmals Elutionsbedingungen dar, d. h. während der eigentlichen Sequenzierung ist die Nukleinsäure dann nicht an die Festphase gebunden. In einem solchen Fall ist es vorteilhaft, für die Aufreinigung der Sequenzierprodukte nach Abschluß der Sequenzierreaktion wieder Anbindungsbedingungen, insbesondere durch Zugabe geeigneter Puffer einzustellen. Für die Sequenzierungsreaktion und anschließend

Bende Aufreinigung braucht die Festphase, insbesondere Beads, nicht abgetrennt werden. Es hat sich herausgestellt, daß die Festphasen, insbesondere Partikel, oftmals das zur Sequenzierung oft verwendete Thermocycling nicht unbeschadet überstehen. In einem solchen Fall werden nach der Sequenzierreaktion neue, unverbrauchte Beads zugegeben.

Die Erfindung umfaßt weiterhin ein Verfahren zur Syntheseisierung von Nukleinsäuren, wobei erfindungsgemäß gebundene Nukleinsäuren nach bekannten Verfahren um mindestens 1 Nukleotid verlängert werden. Ein Beispiel für eine solche Reaktion ist die sog. Primer Extension Reaction, also die Verlängerung eines Primers (ssDNA) um mindestens 1 Nukleotid. Die Verlängerung kann durchgeführt werden, während die Nukleinsäure an die Festphase gebunden ist. Da aber auch bei der Verlängerung von Nukleinsäuren oftmals Bedingungen eingestellt werden, die Elutionsbedingungen entsprechen, kann auch hier das Verlängern stattfinden, während die Nukleinsäure nicht an die Festphase gebunden ist und die Anbindung der verlängerten Nukleinsäure dann anschließend dadurch wieder erreicht werden, daß nach der Verlängerungsreaktion Bindungsbedingungen, beispielsweise durch Pufferzugabe eingestellt werden. Die Festphase braucht während der gesamten Reaktion nicht abgetrennt zu werden.

Die gemäß dem erfindungsgemäßen Verfahren immobilisierten Nukleinsäuren können auch verwendet werden, um selektiv weitere, nachzuweisende Moleküle, beispielsweise Nukleinsäuren oder DNA-bindende Proteine zu binden und können deshalb in entsprechenden Assays eingesetzt werden. Somit umfaßt die Erfindung auch ein Verfahren zum Nachweis eines Analyten in einer Probe, wobei man eine Nukleinsäure enthaltende Lösung mit einer Festphase, die hydrophobe und hydrophile chemische Gruppen aufweist, in Gegenwart eines Salzes und Polyethylenglykols in Kontakt bringt, wobei die Nukleinsäuren an die Oberfläche gebunden werden, anschließend die gebundene Nukleinsäure aufweisende Festphase mit der Probe in Kontakt bringt und den Analyten über die Bindung an die gebundenen Nukleinsäuremoleküle nachweist.

Schließlich umfaßt die Erfindung auch einen Reagenzienkit zur Durchführung des erfindungsgemäßen Verfahrens, der einen Salz und Polyethylenglykol enthaltenden Bindepuffer und eine Festphase, deren Oberfläche hydrophobe und hydrophile Gruppen aufweist. Bevorzugt enthält ein solcher Reagenzienkit zusätzlich Wasch- und Elutionspuffer.

Das erfindungsgemäße Verfahren wird durch die beigefügten Figuren und folgenden Beispiele weiter erläutert.

Fig. 1 (bestehend aus Fig. 1a und 1b) zeigt ein Agarosegel von erfindungsgemäß aufgereinigten PCR-Produkten sowie von PCR-Produkten, die unter Verwendung von COOH-beschichteten Partikeln aufgereinigt wurden:

Fig. 1a zeigt einen Ausbeutevergleich unter Verwendung eines  $\text{NH}_4\text{Cl}$ -Bindepuffers (links) sowie eines  $\text{NaCl}$ -Binde-

puffers (rechts) für erfindungsgemäß aufgereinigte PCR-Produkte (C18/Off-Beads) sowie für PCR-Produkte, die unter Verwendung von COOH-beschichteten Partikeln aufgereinigt wurden (COOH-Beads).

Fig. 1b zeigt einen weiteren Ausbeutevergleich mit  $\text{NH}_4\text{Cl}$ -Bindepuffer.

Fig. 2 (bestehend aus Fig. 2a, 2b und 2c) zeigt die Isolierung und Aufreinigung von ssDNA und dsDNA mit dem erfindungsgemäßen Verfahren für eine MALDI-MS-Analytik:

Fig. 2a zeigt das MALDI-Flugzeitmassenspektrum von erfindungsgemäß aufgereinigten PCR-Produkten mit 47 bzw. 48 Basenpaaren.

Fig. 2b zeigt das MALDI-Flugzeitmassenspektrum eines erfindungsgemäß aufgereinigten PCR-Produktes mit 80 bp.

Fig. 2c zeigt das MALDI-Flugzeitmassenspektrum eines erfindungsgemäß aufgereinigten 24 Nukleotide langen DNA Einzelstrangs.

Bei MALDI werden bevorzugt einfach geladene Moleküle der Spezies  $(M + \text{H})^+$ , und daneben mit verringerter Häufigkeit auch doppelt geladene Moleküle der Spezies  $(M + 2\text{H})^{2+}$  gebildet. PCR-Produkte werden bei der MALDI-Massenspektrometrie, sofern nicht besondere Maßnahmen ergriffen werden, aufzutrennt und in Form der Einzelstränge detektiert. Die Signale zueinander komplementärer Einzelstränge werden oft aufgrund geringer Massenunterschiede nur partiell aufgelöst. Die Größe der PCR-Produkte läßt sich dennoch durch Vergleich der gemessenen mittleren Massen mit abgeschätzten oder aufgrund von bekannten Sequenzen berechneten Werten bestimmen. Die  $(M + \text{H})^+$ -Signale nicht abgetrennter Primer würden in den Spektren an den mit den Pfeilen gekennzeichneten Positionen registriert werden.

## Beispiele

### Beispiel 1

dsDNA-Isolierung und Aufreinigung aus PCR (Polymerasekettenreaktion)

Magnetische Partikel, deren Oberfläche hydrophobe und hydrophile Gruppen aufweist, werden zunächst dreimal mit 150  $\mu\text{l}$  EDTA-Lösung (0,5 mol/l, pH 8) durch magnetische Separation der Partikel und Verwerfen des Überstandes gewaschen. Nach dem letzten Waschen werden die Partikel in EDTA-Lösung aufgenommen und vermischt. Die Massenkonzentration beträgt 20 mg/ml.

Die zu untersuchenden Proben werden in einer Mikrotiterplatte (z. B. 96 well) vorgelegt. Zu 40  $\mu\text{l}$  Probenvolumen werden 40  $\mu\text{l}$  Bindungspuffer (2,5 mol/l NaCl, 20% (Gew./Gew.) PEG6000) und 10  $\mu\text{l}$  der Partikelsuspension zugegeben, vermischt und bei Raumtemperatur 10 min inkubiert.

Die Mikrotiterplatte mit den Proben wird anschließend für 2 min in eine Magnethalterung gestellt, der Überstand verworfen und die Partikel zweimal mit 150  $\mu\text{l}$  Waschpuffer (40% Ethanol) gewaschen und anschließend an Luft 2 bis 5 min getrocknet.

Schließlich wird die Mikrotiterplatte aus dem Magnethalter entnommen und die Partikel in 20  $\mu\text{l}$  Elutionspuffer (1 mmol/l Tris-HCl) resuspendiert und 5 min inkubiert. Die Mikrotiterplatte wird dann wiederum in die Magnethalterung gestellt und das Eluat nach 2 min abgenommen.

Die im Eluat enthaltene DNA konnte ohne weitere Aufreinigung für Konzentrationsbestimmungen, zu DNA-Sequenzierung usw. verwendet werden.

## Beispiel

### 2 dsDNA-Isolierung und Aufreinigung aus Zellkultur

- 5 Zellen aus einer Übermaktkultur wurden pelletiert und der Überstand verworfen. Das Zellpellet wurde in 40  $\mu\text{l}$  Resuspendierungspuffer (50 mmol/l Tris-HCl, pH 8, 10 mmol/l EDTA, 100  $\mu\text{g}/\text{ml}$  RNase A) aufgenommen und vermischt. Dann wurden 40  $\mu\text{l}$  Lysepuffer (200 mmol/l NaOH, 1% (Gew./Gew.) SDS) zugegeben und vermischt. Nach Zugabe von 40  $\mu\text{l}$  Neutralisierungspuffer (3 mol/l KOAc, pH 5,5) und Vermischen wurde 15 min bei 13.000 U/min zentrifugiert.

- Der Überstand wurde in eine frische Mikrotiterplatte transficiert. Erfindungsgemäße magnetische Partikel wurden dreimal mit 150  $\mu\text{l}$  EDTA-Lösung (0,5 mol/l pH 8) durch magnetische Separation der Partikel und Verwerfen des Überstandes gewaschen. Nach dem letzten Waschen werden die Partikel in EDTA-Lösung aufgenommen und vermischt. Die Massenkonzentration betrug 20 mg/ml.

- Zu 120  $\mu\text{l}$  Probenvolumen wurden 120  $\mu\text{l}$  Bindungspuffer (2,5 mol/l NaCl, 20% (Gew./Gew.) PEG 6000) und 10  $\mu\text{l}$  der Partikelsuspension zugegeben. Nach 5 min des Ansatzes wurde 5 min bei Raumtemperatur inkubiert.

- Die Mikrotiterplatte mit den Proben wurde anschließend für 10 min in eine Magnethalterung gestellt, der Überstand verworfen und die Partikel zweimal mit 120  $\mu\text{l}$  Waschpuffer (70% Ethanol, 10 mmol/l Tris-HCl, pH 8, 1 mmol/l EDTA) gewaschen und anschließend an der Luft 5 min getrocknet.

- Die Mikrotiterplatte wurde dann aus dem Magnethalter genommen und die Partikel in 50  $\mu\text{l}$  Elutionspuffer (1 mmol/l Tris-HCl, pH 8) resuspendiert, 5 min inkubiert und die Platte dann wieder in den Magnethalter gestellt und das Eluat nach 2 min abgenommen.

- Die im Eluat enthaltene DNA konnte ohne weitere Aufreinigung für Konzentrationsbestimmungen, DNA-Sequenzierung usw. verwendet werden.

### Beispiel 3

#### Ausbeutevergleich

- Fig. 1 zeigt das Agarosegel von aufgereinigten 100 bp PCR-Produkten. Die Aufreinigung wurde zum einen gemäß der Erfindung und zum anderen unter Verwendung von COOH-beschichteten Partikeln (vgl. US-Patent 5,705,628) durchgeführt. Den PCR-Produkten wurden vor der Aufreinigung 100  $\mu\text{mol}$  einer 32 Nukleotide großen ssDNA zugegeben. Wie man aus der Abbildung des Agarose-Gels sehen kann, wurde die gewünschte Nukleinsäure in gereinigter Form erhalten und unerwünschte Substanzen inklusive der 32 Nukleotide ssDNA abgetrennt. Weiterhin ist die Ausbeute beim erfindungsgemäßen Verfahren deutlich höher als den COOH-beschichteten Partikeln.

### Beispiel 4

#### Aufreinigungsprotokolle

- Zur Aufreinigung von Doppelstrang DNA (vgl. Fig. 2a und 2b) wurden PCR-Reaktionen jeweils in 40  $\mu\text{l}$  Reaktionsvolumina in 96iger Titerplatten durchgeführt. Magnetische Partikel wurden vor Gebrauch magnetisch separiert, wobei überstehende Lösung abpipettiert und die Partikel in einem Aliquot des Bindungspuffers resuspendiert wurden. Nach Abschluß der Amplifikationsreaktion wurden zu jedem Reaktionsgefäß 5  $\mu\text{l}$  der Suspension der magnetischen Partikel zugegeben, gefolgt von 50  $\mu\text{l}$  Bindungspuffer und

zwar für die PCR-Produkte mit 47/48 bp (vgl. Fig. 2a): 1,5 M  $\text{NH}_4\text{Cl}/40 \text{ mM } \text{MgCl}_2$  in 40% (Gew./Gew.) PEG 6000/60% (Gew./Gew.)  $\text{H}_2\text{O}$  und für das PCR Produkt mit 80 bp: 2,5 M  $\text{NH}_4\text{Cl}$  in 30% (Gew./Gew.) PEG 6000/70% (Gew./Gew.)  $\text{H}_2\text{O}$ .

Die resultierende Suspension wurde gut durchmischt und 10 min stehengelassen. Danach wurden die Partikel magnetisch separiert, der Überstand abpipettiert und durch 105  $\mu\text{l}$  65% (vol/vol) Ethanol/35% (vol/vol)  $\text{H}_2\text{O}$  (Waschlösung 1) ersetzt. Durch Umsetzen der Gefäße wurden die magnetischen Partikel zweimal durch die Waschlösung bewegt. Anschließend wurde der Überstand nacheinander durch 115, 125 und 135  $\mu\text{l}$  1,5 M Ammoniumacetat in 30% (vol/vol)  $\text{H}_2\text{O}$ , 70% (vol/vol) Ethanol ersetzt, wobei die Partikel jeweils fünfmal durch die neue Waschlösung 2 bewegt wurden. Die Überstände wurden jeweils verworfen. Schließlich wurden die Partikel zweimal mit 145  $\mu\text{l}$  80% (vol/vol) Ethanol/20% (vol/vol)  $\text{H}_2\text{O}$  (Waschlösung 3) gewaschen, wobei die Partikel jeweils zweimal durch die Lösung bewegt wurden. Nach Abpipettieren des letzten Überstandes wurden die Partikel zum Abdampfen des verbliebenen Ethanols 10 min an Luft stehen gelassen. Anschließend wurden die Partikel in 5  $\mu\text{l}$  1 mM Tris-HCl, pH 7,5 (Elutionslösung) resuspendiert. Nach 10 min wurden die Partikel magnetisch abgetrennt und 0,5  $\mu\text{l}$  des Überstandes auf einen frisch gereinigten MALDI-Probenträger überführt und dort mit 0,5  $\mu\text{l}$  Matrixlösung (200 mM 3-Hydroxypicolinsäure in 30% (vol/vol) Acetonitril/70%  $\text{H}_2\text{O}$  (vol/vol)) vermischt. Nach Abdampfen des Lösungsmittels wurde die Probe in einen Bruker Reflex II MALDI-Flugzeitmassenspektrometer analysiert.

Zur Aufreinigung der Einzelstrang-DNA (vgl. Fig. 2c) wurden 10  $\mu\text{mol}$  eines 24 Nukleotide langen Oligodeoxyribonukleotids in 40  $\mu\text{l}$  PCR-Reaktionslösung vorgelegt und hierzu 5  $\mu\text{l}$  der Suspension der magnetischen Partikel (in Bindepuffer) gegeben, gefolgt von 50  $\mu\text{l}$  Bindepuffer (1,5 M  $\text{NH}_4\text{Cl}/40 \text{ mM } \text{MgCl}_2$  in 35% (Gew./Gew.) PEG 6000/30% (vol/vol) Ethanol. Die Waschprozedur unterschied sich von der obigen darin, daß die erste Waschung ausgelassen wurde und die Waschlösung 2 durch 100 mM Ammoniumacetat in 30% (vol/vol)  $\text{H}_2\text{O}/70\%$  (vol/vol) Ethanol ersetzt wurde. Die Elution und anschließende Analyse des aufgereinigten Produkts wurden wie oben beschrieben durchgeführt.

#### Patentansprüche

1. Verfahren zum Anbinden von Nukleinsäuren an eine Festphase, dadurch gekennzeichnet, daß eine Nukleinsäuren enthaltende Lösung mit einer Festphase, die hydrophobe und hydrophile Gruppen auf der Oberfläche aufweist, in Gegenwart eines Salzes und Polyethylenglykols in Kontakt gebracht wird, wobei die Nukleinsäuren an die Oberfläche gebunden werden.
2. Verfahren nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, daß besagte Oberfläche Alkyl- oder Arylgruppen als hydrophobe Gruppen aufweist.
3. Verfahren nach Anspruch 2, dadurch gekennzeichnet, daß die Alkylgruppen ausgewählt werden aus  $\text{C}_6$ -Alkyl,  $\text{C}_{18}$ -Alkyl und Mischungen davon.
4. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 3, dadurch gekennzeichnet, daß die Oberfläche Hydroxylgruppen als hydrophile Gruppen aufweist.
5. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß es sich bei der Festphase um Festpartikel handelt.
6. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß die Festphase magnetisch ist.

7. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß es sich bei dem Salz um ein Alkali-, Erdalkali- oder/und Ammoniumhalogenid handelt.

8. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß ein Polyethylenglykol mit einer mittleren Molmasse von 1000 bis 20000 g/mol zugegeben wird.

9. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß das Salz in einer finalen Konzentration von  $\leq 5 \text{ mmol/l}$  bis 4 mol/l verwendet wird.

10. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß Polyethylenglykol in einer finalen Konzentration von 5 Gew.-% bis 40 Gew.-% verwendet wird.

11. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß es sich bei der Nukleinsäure um DNA handelt.

12. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß es sich bei der Nukleinsäure um Amplifikationsprodukte handelt.

13. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß selektiv Einzelstrang- oder Doppelstrang-Nukleinsäuren gebunden werden.

14. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche, dadurch gekennzeichnet, daß die Nukleinsäure in einem Bereich von  $\geq 5$  Nukleotide bis  $\leq 1000$  Nukleotide selektiv hinsichtlich der Größe gebunden wird.

15. Verfahren zur Isolierung oder/und Aufreinigung von Nukleinsäuren umfassend die Schritte

- (a) Bereitstellen einer Nukleinsäure enthaltenden Lösung,
- (b) Inkontaktrbringen der Nukleinsäure enthaltenden Lösung mit einer Festphase, die hydrophobe und hydrophile Gruppen auf der Oberfläche aufweist, in Gegenwart eines Salzes und Polyethylenglykols, wobei die Nukleinsäure an die Oberfläche gebunden wird,
- (c) Abtrennen der Festphase von der Lösung und
- (d) gegebenenfalls Ablösen der Nukleinsäure von der Festphase.

16. Verfahren nach Anspruch 15, dadurch gekennzeichnet, daß die Festphase magnetisch ist und das Abtrennen der Festphase von der Lösung durch magnetische Mittel erfolgt.

17. Verfahren nach Anspruch 15 oder 16, dadurch gekennzeichnet, daß die in Schritt (c) abgetrennte Festphase mit einer Pufferlösung gewaschen wird, welche an die Festphase gebundene Verunreinigungen, nicht aber an die Festphase gebundene Nukleinsäuren löst.

18. Verfahren nach einem der Ansprüche 15 bis 17, dadurch gekennzeichnet, daß das Ablösen der Nukleinsäure in Schritt (d) mittels einer Elutionslösung durchgeführt wird.

19. Verfahren nach einem der Ansprüche 15 bis 18, dadurch gekennzeichnet, daß von der Festphase abgelöste Nukleinsäure und die Festphase mit magnetischen Mitteln getrennt werden.

20. Verfahren nach einem der Ansprüche 15 bis 19, dadurch gekennzeichnet, daß die gewonnene Nukleinsäure einer massenspektrometrischen Analyse unterzogen wird.

21. Verfahren zur Bestimmung der Nukleotidsequenz einer Nukleinsäure umfassend die Schritte:

- (a) Anbinden einer Nukleinsäure an eine Fest-



- phase gemäß dem Verfahren nach Anspruch 1 und  
 (b) Sequenzieren der Nukleinsäure nach bekannten Verfahren.
22. Verfahren nach Anspruch 21, weiterhin umfassend den Schritt 5
- (c) Aufreinigung der Sequenzierungsprodukte.
23. Verfahren zur Synthetisierung von Nukleinsäuren umfassend die Schritte
- (a) Anbinden einer Nukleinsäure an eine Festphase gemäß dem Verfahren nach Anspruch 1 und 10
- (b) Verlängern der Nukleinsäure um mindestens ein Nukleotid nach bekannten Verfahren.
24. Verfahren zum Nachweis eines Analyten in einer Probe, dadurch gekennzeichnet, daß man eine Nukleinsäuren enthaltende Lösung mit einer Festphase, die hydrophobe und hydrophile Gruppen auf der Oberfläche aufweist, in Gegenwart eines Salzes und Polyethylenglykols in Kontakt bringt, wobei die Nukleinsäuren an die Oberfläche gebunden werden, anschließend diese Festphase mit der Probe in Kontakt bringt und den Analyten über die Bindung an die gebundenen Nukleinsäuren nachweist. 15
25. Reagenzienkit zur Durchführung eines Verfahrens gemäß einem der Ansprüche 1 bis 24 umfassend:
- (a) einen Bindepuffer, der ein Salz und ein Polyethylenglykol enthält und 25
- (b) eine Festphase, die hydrophobe und hydrophile Gruppen auf der Oberfläche aufweist.
26. Reagenzienkit nach Anspruch 25, weiterhin umfassend, 30
- (c) einen Elutionspuffer, mit dem an diese Oberfläche gebundene Nukleinsäure abgelöst werden können,
- (d) einen Waschpuffer, mit dem an die Festphase gebundene Verunreinigungen abgetrennt werden können. 35

---

Hierzu 3 Seite(n) Zeichnungen

---

40

45

50

55

60

65

- Leerseite -

Fig. 1a

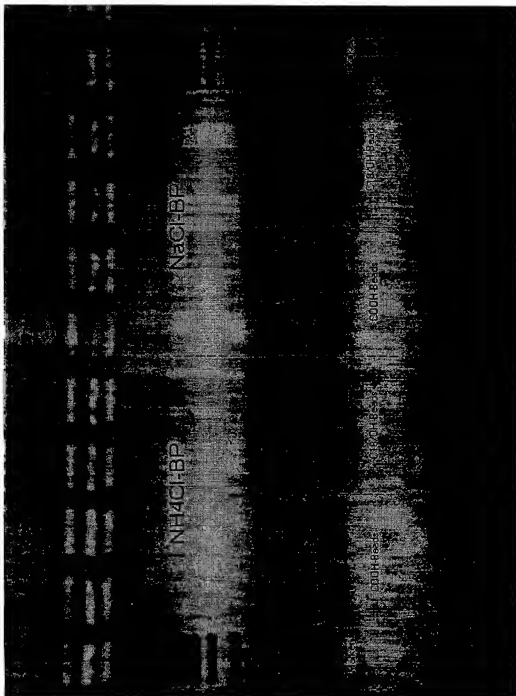


Fig. 1b

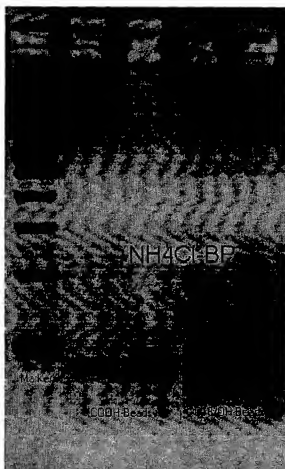


Fig. 2

